

# 学术报告

2016年12月17-18日

中国农业科学院农科院研究生院一教

**12/17 (周六) 08:00-10:00 白书农 北京大学生命科学学院**

植物发育研究中生物信息学工具运用的三个案例

Application of bioinformatics in the research of plant developmental biology

白书农教授1982年毕业于安徽农学院，1990年获中科院植物所博士学位，1991年赴加州大学伯克利分校从事博士后研究，1998年起应聘北京大学，从事黄瓜单性花发育机制、水稻雄蕊早期发育调控等研究，曾提出植物发育单位、有性生殖周期和植物发育程序的概念。



**12/17 (周六) 10:00-12:00 龙漫远 芝加哥大学生态和演化系**

表型和表达网络演化中的新基因

The roles of new genes in evolution of phenotypes and expression networks

龙漫远教授1982年毕业于四川农学院，1992年获加州大学博士学位后赴哈佛大学从事博士后研究，1997年起受聘于芝加哥大学，2006-2015年任北京大学长江讲座教授。多年来一直从事新基因起源和演化研究，曾发现“精卫”等多个新基因，发表学术论文150多篇，主编著作3本。



**Manyuan Long, Ph.D.**

Edna K. Papazian  
Distinguished Service Professor

**12/18 (周日) 9:00-11:00 郝柏林 复旦大学理论生物学中心**

基因组时代的计算微生物学

Computational Microbiology in the Genome Era

郝柏林院士1959年毕业于乌克兰国立哈尔科夫大学，1980年当选为中科院院士，曾从事理论物理研究。1997年以来从事生物信息学研究，提出了基于序列组分矢量 (Composition Vector) 的基因组序列分析新方法CVTree，并用于细菌基因组亲缘关系和分类研究。

